

רשתות (גרפים מותוגים) משמשות לייצוג תופעות ביולוגיות ותהליכים ביולוגיים (כגון בקרת התבטאות של גנים) בקנה-מידה נרחב. הניתוח של המבנה והתוכן שלהם מאפשר מציאת תבניות, והן ברמה הסטטית הן ברמה הדינמית (למשל סימולציה של תהליכים בתא החי), ותובנות בעלות עניין לחוקרים בביולוגיה מערכתית.

רצוי רקע בביואינפורמטיקה או בביולוגיה מולקולארית ובמבני נתונים, אך ינתנו מספר שעורי מבוא להשלמת הרקע הנדרש.

במהלך הקורס נקרא מאמרים ופרקי ספרים שהתפרסמו בשנים האחרונות בנושא.

שני נושאים מרכזיים יהיו:

1. השואת רשתות

2. ושאלות ברשתות

על כל משתתף להציג נושא אחד בפני הכיתה ולכתוב עבודה סמינריונית על נושא זה.

חלה חובת השתתפות בכל המפגשים.